

Julien Maupetit

9, Rue Geoffroy Saint Hilaire
75005 Paris

Tél. : 01 47 07 08 29 / Mob. : 06 82 43 65 34
Courriel : maupetit@ebgm.jussieu.fr
Site : <http://julien.maupetit.free.fr>

Marié.
Nationalité Française.
Né le 14 octobre 1980 à Saint-Denis (93).

Formation

- 2005–2007** : Doctorat d'Analyse de Génome et Modélisation Moléculaire à l'Université Paris 7.
- 2004** : DEA d'Analyse de Génome et Modélisation Moléculaire à l'Université Paris 7, *mention bien*.
- 2003** : Maîtrise de Biochimie à l'Université Paris 7, *mention bien*.
- 2002** : Licence de Biochimie à l'Université Paris 7, *mention bien*.
- 2001** : DEUG SV à l'Université Paris 7 (2^{ème} année), *mention assez bien*.
- 1999–2000** : PCEM1 à la Faculté de Médecine Lariboisière Saint Louis, *classement 150 sur 750 inscrits*.
- 1998** : Baccalauréat Série S, option SVT. Lycée Gérard de Nerval (95), *mention bien*.

Expérience Professionnelle

Recherche

- 2004–2007** : Génération *ab initio* de modèles protéiques à partir de représentations discrètes des protéines et de critères d'énergie simplifiés. Application aux séquences orphelines des génomes. *Sous la direction de Pierre Tuffery, EBGM, INSERM U726 (Paris, France)*.
- jan-jul **2004** : Génération *ab initio* de modèles protéiques à partir de représentations discrètes des protéines et de critères d'énergie simplifiés. *Sous la direction de Pierre Tuffery, EBGM, INSERM U726 (Paris, France)*.
- jun-jul **2003** : Développement d'un Outil de Visualisation Moléculaire. *Sous la direction de Pierre Tuffery, EBGM, INSERM U726 (Paris, France)*.
- jan-mai **2003** : Génotypage de souris transgéniques. *Sous la direction de Jacqueline London, laboratoire EA 3508, Université Paris 7 (Paris, France)*.
- jun-aoû **2002** : Implication de l'hepcidine dans certaines hémochromatoses – Le système IRE/IRP chez les souris transgéniques sur-exprimant la SOD. *Sous la direction de Marie Elise Martin, INSERM U409 (Paris, France)*.

Enseignement

- sep **2006** : Introduction au duo XHTML/CSS. M2 Biologie Informatique, Université Paris 7. (2h)
- juil **2006** : TP de Modélisation par Homologie et Modes Normaux. 1st Medils Summer School, Split (Croatie). (4h)
- sep-oct **2005** : Cours / TP Outils en Bioinformatique. M1 et M2 de Biologie Informatique, Université Paris 7. (80h)

Publications

Articles

- * **Maupetit J**, Tuffery P, Derreumaux P. A Coarse-Grained Protein Force Field for Folding and Structure Prediction. *Proteins*. 2007 Jun 28 ;69(2) :394-408.
- * Regad L, Guyon F, **Maupetit J**, Tuffery P, Camproux AC. A Hidden Markov Model Applied to the Protein 3D Structure Analysis. *Computational Statistics Data & Analysis*. Sous presse.
- * **Maupetit J**, Gautier R, Tuffery P. SABBAC : online Structural Alphabet-based protein Backbone reconstruction from Alpha-Carbon trace. *Nucleic Acids Res*. 2006 Jul 1 ;34(Web Server issue) :W147-51.

Communications Orales

- * **Maupetit J**, Guyon F, Camproux AC, Derreumaux P and Tuffery P. Candidate Fragments Prediction and their Assembly with a Greedy Algorithm and a Coarse-Grained Force Field to solve Protein Folding. *JOBIM 2007 : Journées Ouvertes Biologie, Informatique et Mathématiques 2007*. Marseille, France.

Posters

- * **Maupetit J**, Guyon F, Martin J, Camproux AC, Derreumaux P and Tuffery P. Assessing a New Approach for Protein Structure Modeling Combining Structural Alphabet Local Conformation Prediction and Greedy Algorithm for Reconstruction. *CASP7 : Critical Assessment of Techniques for Protein Structure Prediction 2006*. Asilomar, Etats-Unis.
- * **Maupetit J**, Derreumaux P and Tuffery P. A Greedy Algorithm for Protein Structure Reconstruction : Improvements and Applications. *GCB'06 German Conference on Bioinformatics 2006*. Tübingen, Allemagne.
- * **Maupetit J**, Derreumaux P and Tuffery P. Reconstruction de structures protéiques à partir d'un alphabet structural et d'un algorithme glouton. *GGMM'05 Groupe de Graphisme et de Modélisation Moléculaire 2005*. Les Embiez, France.

Renseignements Complémentaires

Langues

- * **Anglais** : lu, écrit, parlé.
- * **Allemand** : scolaire

Informatique

- * **Systèmes** : GNU/Linux, Mac OS X, Windows.
- * **Programmation** : C, Python, Bash, R, PHP.
- * **Développement web** : services CGI.
- * **Administration** : installation/maintenance système (GNU/Linux), Apache2.
- * **Bases de données** : Langage SQL.
- * **Mise en forme** : XHTML/CSS, \LaTeX .
- * **Modélisation Moléculaire** : PyMol, XmMol. Familiarisé avec Gromacs, Modeller et MMTK.
- * **Multimédia** : Adobe Photoshop, Illustrator, Premiere.

Loisirs

- * **Théâtre** : théâtre au sein de l'Atelier Théâtral de Marly-la-Ville (95) depuis 1999.
- * **Musique** : guitare depuis 1994.
- * **Informatique** : loisirs multimédias (Photo numérique, montage DV, réalisation de sites internet).